

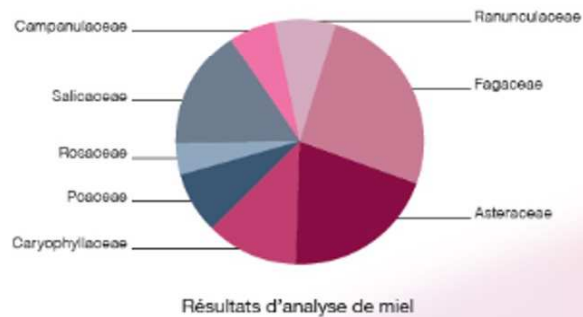
ANALYSE DE LA COMPOSITION EN ESPÈCES VÉGÉTALES



À partir de plantes en mélange, de poudres, de miels, de produits complexes (ingrédients et produits finis)...



...Identification des familles, genres ou espèces végétales en présence



TECHNOLOGIE UTILISÉE : APPROCHE PCR/SÉQUENÇAGE

- ▲ Extraction d'ADN et amplification PCR avec outils moléculaires brevetés* :
 - ▲ Marqueur moléculaire discriminant, permettant de distinguer les espèces végétales ;
 - ▲ Amorces universelles permettant l'analyse en aveugle (les plantes en présence ne sont pas connues a priori).
- *Licence de brevet Université Joseph Fourier
- ▲ Analyse des produits PCR.
- ▲ Séquençage haut débit.
- ▲ Analyse bio-informatique des séquences génétiques obtenues. Le polymorphisme du marqueur moléculaire permet de distinguer les familles, genres ou espèces végétales en présence.

```

sel=0          1      Seq : 1      Pos : 1|1      [HWI-ST132:570;sample=RM03B2a;count=256]
HWI-ST132:570 ; sample TCCTATTTTTCGAAAACAAACAAAGGTTTCATAAAGACAGAATAAGAATACAAAAG
HWI-HK248:834 ; sample TTTTCGAAAACAAACAAAGGTTTCATAAAGACAGAATAAGAATACAAAAG
    
```



17, avenue du Lac Léman | Savoie Technolac - BP 342 - 73377 Le Bourget-du-Lac
 Dr Nicole Giraud | Mail : nicole.giraud@dnagensee.com | Tel. : +33 (0)6 58 34 20 15